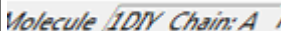
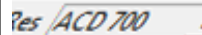











## VISUALISATION DE MOLÉCULES AVEC RASTOP

Repérer l'identification (lettres ou le numéro) d'une molécule ou de ses constituants			Quelques détails des menus	
<b>Colorer par chaînes</b> permet de visualiser les différents composants d'une molécule (sous-unités constituant une macromolécule ou un complexe enzyme-substrat).			<b>Afficher la molécule sélectionnée</b> «Fichier / ouvrir» ou «Fichier charger un fichier de molécules» :	
<b>Déplacer le curseur</b> sur la molécule : la référence des composants pointés apparaît dans les fenêtres en bas de l'écran			<b>Imprimer la molécule</b> affichée ou celle qui est sélectionnée : «Fichier / Imprimer»	
 <b>Molécule</b> (enzyme, anticorps, ADN) identifie la molécule ou une de ses sous-unités (chaîne) en lui attribuant une lettre <b>A</b>			<b>Sélectionner ou modifier l'affichage</b> : «Éditer/sélectionner/Expression» : même fonction que l'éditeur de commande	
 <b>Res</b> identifie un constituant de la molécule : <b>T</b> (une lettre pour un nucléotide), <b>ACD</b> (trois lettres pour le substrat d'une enzyme, un acide aminé), suivi de sa position dans la chaîne <b>700</b>			<b>Fixer le diamètre des sphères</b> : «Atomes/Représentation/rayon fixe»	
<b>ZOOM</b> : shift tenu, bouton gauche de la souris enfoncé, avancer la souris : Zoom avant			<b>Afficher la molécule en ruban</b> , sous la forme du squelette carboné notamment : «Rubans»	
			<b>Afficher plusieurs molécules</b> si plusieurs fichiers ont été ouverts: «Fenêtres/Mosaïque»	
Sélection et choix de la représentation de la partie sélectionnée dans la fenêtre active			Réalisation de mesures	
 Dans l'éditeur de commandes, il est nécessaire de taper :		avec les pictogrammes de choix		 <b>distance</b> Outil mesure de distance <b>Cliquer</b> successivement sur les deux éléments. Valeur affichée en <b>angström</b>
<b>*</b>	pour sélectionner l'ensemble des chaînes affichées dans la fenêtre (permet aussi d'annuler toute sélection plus serrée)		<b>Sélectionner 1 atome</b> en cliquant dessus	
<b>*A</b>	pour sélectionner la chaîne <b>A</b> identifiée dans la fenêtre « <b>Molécule</b> »		<b>Sélectionner 1 chaîne</b>	 <b>angle</b> Outil mesure d'angle Cliquer successivement sur les trois éléments. Valeur affichée en degrés
<b>ACD (sans *)</b>	pour sélectionner le constituant <b>ACD</b> identifié dans la fenêtre « <b>Res</b> » de toutes les chaînes ou <b>700</b> (sans *)		<b>Afficher</b> ce qui est sélectionné, cliquer pour revenir à l'affichage standard	
<b>20-75</b>	pour sélectionner les constituants du n°20 au n°75 de toutes les molécules affichées	avec les pictogrammes «affichage»		<b>Observation d'une molécule en profondeur</b>  L'icône « front» et les deux flèches juxtaposées à droite assurent un déplacement en avant et en arrière de la molécule par rapport à l'écran.
<b>*L, *H</b>	pour sélectionner les chaînes L et H des molécules affichées		<b>Sphères</b> : <b>afficher</b> la sélection sous forme de sphères	
<b>*L and 20-75</b>	pour sélectionner les constituants de 20 à 75 de la chaîne L		<b>Rubans</b> : <b>afficher</b> la sélection sous la forme d'un ruban	
 avec la palette de couleurs:				
<b>Choisir</b> une couleur qui affectera la sélection ou une couleur de fond (choisir fond blanc pour l'impression)				